



Alla släkt med alla?

Description

Ibland kan man få en känsla av att alla i ett begränsat område får DNA-match med alla andra. Detta kan ställa till problem när man vill testa om ett släktskap stämmer; det blir svårt att skilja intressanta matcher från ointressanta. Det blir svårt att veta vad man egentligen ser.

Jag försöker just nu bekräfta eller avfärda ett släktskap från Byskeområdet och för att få ett bättre underlag för bedömning ville jag uppskatta förekomsten av "slumpmatcher" eller "falskmatcher". Hur stor risk är det egentligen att en person med rötter i området mellan Skellefteå och Piteå får match med en annan person vilken som helst utan att det finns någon särskild misstanke om släktskap?

Helt ovetenskapligt frågade jag därför i Facebookgrupper efter Gedmatchnummer till personer med huvudsakliga rötter i området. Jag fick in en uppsättning som jag nu jämfört på Gedmatch.

Så här ser parvis totalt gemensamt autosomalt DNA och X-DNA ut i gruppen om 10 personer från området på Gedmatch. Först med tröskel 7 cM / 700 SNP:

-	20.0	45.3	87.6	100.3	None	62.5	58.3	None	20.0
20.0	-	54.8	41.3	43.1	7.1	61.9	86.7	None	8.0
45.3	54.8	-	31.0	56.2	7.4	50.6	93.6	None	15.9
87.6	41.3	31.0	-	10.2	None	65.5	28.3	15.6	7.6
100.3	43.1	56.2	10.2	-	None	82.4	53.4	None	None
None	7.1	7.4	None	None	-	None	None	7.2	None
62.5	61.9	50.6	65.5	82.4	None	-	63.5	None	14.3
58.3	86.7	93.6	28.3	53.4	None	63.5	-	None	None
None	None	None	15.6	None	7.2	None	None	-	None
20.0	8.0	15.9	7.6	None	None	14.3	None	None	-

Aut. DNA, Total Shared cM, 7 cM / 700 SNP

-	None	None	None	17.3	None	None	None	None	8.3
None	-	None	None	None	None	None	9.1	None	None
None	None	-	None	None	None	24.5	None	None	None
None	None	None	-	None	None	None	None	None	None
17.3	None	None	None	-	None	23.3	12.0	None	14.7
None	None	None	None	None	-	None	None	None	None
None	None	24.5	None	23.3	None	-	None	None	None
None	9.1	None	None	12.0	None	None	-	None	None
None	None	None	None	None	None	None	None	-	None
8.3	None	None	None	14.7	None	None	None	None	-

X-DNA, Total Shared cM, 7 cM / 700 SNP

Därefter med lite lägre tröskel, 5 cM / 500 SNP:

-	38.7	73.4	111.8	138.7	None	91.8	72.1	6.4	20.0
38.7	-	77.5	49.4	55.0	7.1	67.0	104.8	None	13.6
73.4	77.5	-	43.4	85.9	7.4	66.6	111.3	None	22.0
111.8	49.4	43.4	-	21.8	None	89.9	40.5	15.6	7.6
138.7	55.0	85.9	21.8	-	17.4	93.9	90.9	None	10.4
None	7.1	7.4	None	17.4	-	None	6.6	7.2	10.7
91.8	67.0	66.6	89.9	93.9	None	-	97.6	None	27.4
72.1	104.8	111.3	40.5	90.9	6.6	97.6	-	None	5.0
6.4	None	None	15.6	None	7.2	None	None	-	6.1
20.0	13.6	22.0	7.6	10.4	10.7	27.4	5.0	6.1	-

Aut. DNA, Total Shared cM, 5 cM / 500 SNP

-	None	None	5.1	17.3	5.7	5.1	None	None	15.1
None	-	None	None	None	None	None	9.1	None	None
None	None	-	5.5	None	None	30.6	5.7	None	None
5.1	None	5.5	-	None	None	None	10.6	None	None
17.3	None	None	None	-	None	23.3	28.5	None	14.7
5.7	None	None	None	None	-	6.9	None	None	None
5.1	None	30.6	None	23.3	6.9	-	5.5	None	None
None	9.1	5.7	10.6	28.5	None	5.5	-	None	5.2
None	None	None	None	None	None	None	None	-	None
15.1	None	None	None	14.7	None	None	5.2	None	-

X-DNA, Total Shared cM, 5 cM / 500 SNP

Slutsats

De flesta med rötter i området Skellefteå – Piteå har tydlig autosomal DNA-koppling till varandra. 67 % (2 av 3) i min slumpmässiga grupp har koppling som klarar 7 cM tröskeln och 82 % (5 av 6) klarar 5 cM-tröskeln.

X-match är inte lika vanlig men ungefär 15 % (1 koppling av 6) har X-DNA som klarar tröskeln 7 cM och 35 % (1 koppling av 3) har X-DNA som klarar tröskeln 5 cM.

Gruppens sammansättning kan diskuteras men tendensen är klar. Merparten matchar varandra på autosomalt test och en hel del har X-match.

Jakob Norstedt

Category

1. DNA-teknik

Date Created

april 2018

Author

jakobnm